**蛋白质组学项目送样表**

|  |
| --- |
| **基本信息** |
| **\***客户单位全称： |
| **\***联系人姓名： | 电话： | 邮箱： |
| **\***对接销售姓名： | 电话： | 邮箱： |
| **\*测试项目类型** |
| **定量蛋白质组** | **修饰蛋白质组学** | **靶向定量蛋白验证** |
| □TMT标记定量 | □TMT磷酸化蛋白修饰定量 | □乙酰化蛋白修饰定量 | □PRM（目标蛋白）□相对定量□绝对定量 |
| □Label-free非标记定量 | □Label-free磷酸化 | □丙酰化蛋白修饰定量 |
| □iTRAQ标记定量 | □酪氨酸磷酸化蛋白修饰定量 | □丙二酰化蛋白修饰定量 | □PRM 磷酸化 |
| □Label-free多肽组学 | □N-糖基化蛋白修饰定量 | □戊二酰化蛋白修饰定量 | □PRM 泛素化 |
| □DIA（数据非依赖采集）定量 | □泛素化蛋白修饰定量 | □琥珀酰化蛋白修饰定量 | □PRM 乙酰化 |
| □甲基化蛋白修饰定量 | □棕榈酰化蛋白修饰定量 | **检测肽段序列与名称：附列表** |
|  | □亚硝基化蛋白修饰定量 | □氧化还原蛋白修饰定（Cys） |
| 其他检测项目：  |
| **样品信息** |
| **\***样品类型： | **\***重量或体积： |
| **\***物种信息：中文： 拉丁文: |
| **\***放置时间和条件 ：□4℃ □-20℃ □-40℃ □-80℃  |
| 是否已经进行样本处理制备：□是 □否 处理方式：  |
| 序号 | 组别名称 | 实际样品标记名称 | 报告样品名称（实际样品名与报告名称一一对应） | 相同样品数量 | 备注(样本特殊信息等) |
| 1 |  |  |  |  |  |
| 2 |  |  |  |  |  |
| 3 |  |  |  |  |  |
| 4 |  |  |  |  |  |
| 5 |  |  |  |  |  |
| 6 |  |  |  |  |  |
| 7 |  |  |  |  |  |
| 8 |  |  |  |  |  |
| 9 |  |  |  |  |  |
| 10 |  |  |  |  |  |
| 11 |  |  |  |  |  |
| 12 |  |  |  |  |  |
| 13 |  |  |  |  |  |
| 14 |  |  |  |  |  |
| 15 |  |  |  |  |  |
| **实验信息** |
| 是否去除高丰度蛋白： □是 □否 | 是否分级：□是 □否 | 分级数量： |
| 附注： |
| **数据分析信息** |
| **\***差异比较分析组数 | 比较组1 | 比较组2 | 比较组3 | 比较组4 | 比较组5 |
| **进行差异比较分析的组别****（如：A组/ B组等**） |  |  |  |  |  |
| **\***差异比较分析组数 | 比较组6 | 比较组7 | 比较组8 | 比较组9 | 比较组10 |
| **进行差异比较分析的组别****（如：A组/ B组等**） |  |  |  |  |  |
| **生物信息学分析** |
| □GO注释分析 | □GO富集分析 | □KEGG注释分析 | □KEGG富集分析 |
| □聚类分析 | □转录和蛋白联合分析 | □蛋白和代谢联合分析 |  |
| □其他 |
| 是否需要返样：□是 □否 |
| 备注： |
| **填表说明：*** 送样表请尽可能完整填写，关系到甲方的样品寄到乙方实验室后，妥善的保存和实验的顺利开展。
* 样品类型：动物组织、血清、血浆、尿液、植物组织、菌体、发酵液等。
* 请清楚标明样本名称，样本管上的名称要与《样品信息》栏一致，请核实无误。
* 差异比较分析：如A组/B组，请一定确认好分子分母。
* 样品默认不返还，在项目完成半年后销毁。

**注意事项：**1. 邮寄地址：上海市闵行区东川路555号5号楼203A，上海拜谱生物科技有限公司，**工作日样品到填写：吴君18721876801（收），若周末到填写：胡伟伟18021063283（收）。**
2. 请务必在送样前以电子邮件的形式将电子版送样表发送给对应销售的邮箱，送样时将纸质版送样表和样品一起放置在快递中。
3. 用于组学的细胞、组织、血清、尿液及菌类务必用封口膜把样本管密封好然后干冰快递。
4. 请合理安排发货时间，避免样本在周六、周日或法定节假日到达，如果物流方面有特殊要求，请事先与对应销售电话确认。

警告：具有可感染人类的高致病性病原微生物菌（病毒）种或样本，请不要寄送至本公司，谢谢配合！ |